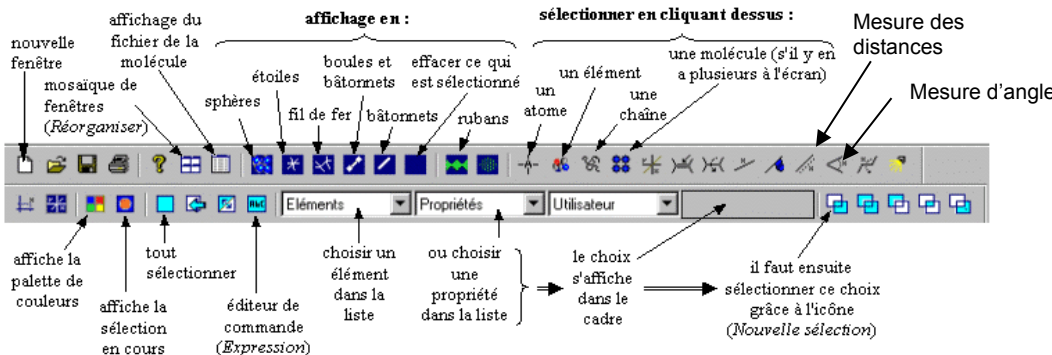
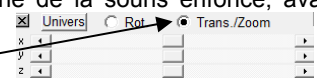


VISUALISATION DE MOLÉCULES AVEC RASTOP

Barre de menu			Quelques détails des menus	
			Afficher la molécule sélectionnée «Fichier / ouvrir» ou «Fichier charger un fichier de molécules» : Imprimer la molécule affichée ou celle qui est sélectionnée : «Fichier / Imprimer» Sélectionner ou modifier l'affichage : «Éditer/ sélectionner/Expression» : même fonction que l'éditeur de commande Fixer le diamètre des sphères : «Atomes/Représentation/rayon fixe» Afficher la molécule en ruban, sous la forme du squelette carboné notamment : «Rubans» Afficher plusieurs molécules si plusieurs fichiers ont été ouverts: «Fenêtres/Mosaïque» Repérer les différentes sous-unités d'une molécule : « Atome/ colorer par / Chaîne »	
Sélection et choix de la représentation de la partie sélectionnée dans la fenêtre active			Repérer l'identification (lettres ou le numéro) d'une molécule ou de ses constituants	
	Dans l'éditeur de commandes, il est nécessaire de taper :		avec les pictogrammes de choix	
*	pour sélectionner l'ensemble des chaînes affichées dans la fenêtre (permet aussi d'annuler toute sélection plus serrée)			Sélectionner 1 atome en cliquant dessus
*A	pour sélectionner la chaîne A identifiée dans la fenêtre « Molécule »			Sélectionner 1 chaîne
ACD (sans *)	pour sélectionner le constituant ACD identifié dans la fenêtre « Res » de toutes les chaînes ou 700 (sans *)			Afficher ce qui est sélectionné, cliquer pour revenir à l'affichage standard
20-75	pour sélectionner les constituants du n°20 au n°75 de toutes les molécules affichées			
*L,*H	pour sélectionner les chaînes L et H des molécules affichées			
*L and 20-75	Pour sélectionner les constituants de 20 à 75 de la chaîne L			
	avec la palette de couleurs		avec les pictogrammes «affichage»	
Choisir une couleur qui affectera la sélection ou une couleur de fond (choisir fond blanc pour l'impression)			Réalisation de mesures	
Observation d'une molécule en profondeur				 Distance /Outil mesure de distance Cliquer successivement sur les deux éléments. Valeur affichée en angström
				 angle / Outil mesure d'angle Cliquer successivement sur les trois éléments. Valeur affichée en degrés
L'icône « front» et les deux flèches juxtaposées à droite assurent un déplacement en avant et en arrière de la molécule par rapport à l'écran.				Rubans : afficher la sélection sous la forme d'un ruban ZOOM : shift tenu, bouton gauche de la souris enfoncé, avancer la souris : Zoom avant ou 

Plus adapté ;-)

1- afficher les chaînes(atomes/ colored by/chaines)

2- repérer les substrats(acide arachidonique(ACD), Aspirine(SAL), Ibuprofène(IBU)) et noter leur « numéro »

Res ACD 700

3- Ouvrir l'éditeur de commande :  et rentrer le numéro

4- attribuer une couleur spécifique  et une forme visible au substrat(sphères  ou boules et bâtonnets)

5- repérer les acides aminés en contact avec ce substrat, noter leurs numéros et les afficher de façon repérable grâce à l' éditeur de commande  et à la palette de couleur .

6- faire de même avec les autres représentations.